

Programa Embrapa de Melhoramento de Gado de Corte - Geneplus
RESULTADOS DA AVALIAÇÃO GENÉTICA GENÔMICA - SENEPOL
EMBRAPA GADO DE CORTE
Janeiro/2026

Ficha do Animal: GOUD0549 - GRANDE DA GOUD FIV

Nascimento: 05/10/2014

Sexo: Macho

Consanguinidade: 0,68%

Pai: R10340 - OLR UNICO ROJO 4Y

Genotipado: Sim

Mãe: R00605 - TROPICANA 441 DA G63

DM: dmdm

Avô Materno: R00009 - GST SOL 31

Slick: Ss

Fazenda: JVR SENEPOL (UBERLÂNDIA - MG)














Grupo: PO

Filhos na avaliação: 47

Nº de Rebanhos: 8

Filhos nascidos: 148

Nº de Rebanhos: 28

	DEPg	AC	%	Classe	-	+
PN (Kg)	0,13	28	72	R		
PD - EM (Kg)	-0,27	6	32	S		
PD - ED (Kg)	10,37	48	0,1	E		 **
TMD (Kg)	4,92		0,1	E		 **
PS (Kg)	18,11 F	53	0,5	E		 *
GPD (Kg)	7,75	53	0,5	E		 *
CFD (1-6)	0,07	39	35	S		
CFS (1-6)	0,13 F	42	33	S		
PES (cm)	-0,58 F	55	94	I		
AOL (cm²)	1,76 F	34	1	E		
EGS (mm)	-0,11 F	27	82	R		
MAR (%)	0,14 F	30	5	E		
CAR (Kg/Dia)	0,00	13	44	S		

IQGg (Básico) = 25,57

Percentil = 1 %

Classe: E

7%*PN + 23%*TMD + 14%*PS + 8%*GPD + 8%*CFS + 10%*PES + 12%*AOL + 9%*EGS + 2%*MAR + 7%*CAR

IQGg = Índice de qualificação genética genômica; Cc = Coeficiente de Consanguinidade; Dep = Diferença esperada na progênie; Ac = Acurácia; TOP(%) = percentil; TM = total materno; EM = Efeito Materno; DM = Gene de aumento da massa muscular (Dupla Musculatura); Slick = Gene de tolerância ao calor; PN = Peso ao Nascer (kg); PD - EM = Peso à Desmama (Efeito Materno) (kg); PD - ED = Peso à Desmama (Efeito Direto) (kg); PS = Peso ao Sobreano (kg); GPD = Ganho Pós-Desmama (kg); CFD = Conformação Frigorífica à Desmama (1-6); CFS = Conformação Frigorífica ao Sobreano (1-6); PES = Perímetro Escrotal ao Sobreano (cm); AOL = Área de Olho de Lombo (cm²); EGS = Espessura de Gordura Subcutânea (mm); MAR = Marmoreio (%); CAR = Consumo Alimentar Residual (kg/dia), F = Contribuiu com Fenótipo.